

Figure 1

SEQ ID NO:29	1	MADKE-----NCIRVTRLAKRAVEAMAASEQORPS---KKRVVLGEL-----	60
SEQ ID NO:2		-----GIPGVDPV---RPRV-----	
SEQ ID NO:29	61	-----KNLSSN-----	120
SEQ ID NO:2		-----	
SEQ ID NO:29	121	-----ISSIQTY-----DFSSGPQKQKKNKRKAKESL	180
SEQ ID NO:2		-----	
SEQ ID NO:29	181	-----KVEEAGIDVFSQDDPQMGAYVSDIYEYLHKMEMETKRRP	240
SEQ ID NO:2		-----APADQLSGSYASDIYTYLRSLEVDPPRRS	
SEQ ID NO:29	241	LPDYLDKVQKDV TANMRGVLDWLVEVAEEYKLLPDTLYLTVSYIDRFLSMNALSRQKLQ	300
SEQ ID NO:2		RSDYIEAVQADVTAHMR SILVDWLVEVAEEYKLVADTLYLTISYVDRFLSVNALGRDKLQ	
SEQ ID NO:29	301	LLGVSSMLIAASKYEEISPPHVEDFCYITDNTYKKEEVVKMEADVLKFLKFEMGNPTIKTF	360
SEQ ID NO:2		LLGVASMLIAAKFEEISPPHPEDFCYITDNTYTKELLKMESDILKLLKFELGNPTIKTF	
SEQ ID NO:29	361	LRRLTRVVQDGDKNPNLQFEFLGYLAELSLLDYGCVKFLPSLIASSVIFLSRFTLQPKV	420
SEQ ID NO:2		LRRFIRSAHEDKKGSILLMEFLGSYLAELSLLDYGCLRFLPSVVAASVMFVARPDIDPNT	
SEQ ID NO:29	421	HPWNSLLQHN SGYPADLKECVLI I HDLQLSKRGSSLVAVRDKYQH KFKCVSTLTAPPS	480
SEQ ID NO:2		NPWNTKLQKMTGYKVSELKDCIVAI HDLQLNRKCPSLTAIRDKYQH KFKCVSLILVPV	
SEQ ID NO:29	481	IPDEFFED---	492
SEQ ID NO:2		IPTS YFEDLAE.	

Figure 2

SEQ ID NO:30	1	M--RSYRFSYDLHMSVSFSNDMDLFC-----	60
SEQ ID NO:8		M--GDAAST-----SAPTTPTSILIC-----	
SEQ ID NO:10		H--ELTASS-----LC-----	
SEQ ID NO:12		M--SVSCLSDY-----DLIC-----	
SEQ ID NO:14		-----	
SEQ ID NO:30	61	-----GEDSGV-----FSGESTV-----DFSSEVDSWPGD-----	120
SEQ ID NO:8		-----LEDGSD-----LLADADD-----GAGTDLVWARDERLLVVD-----	
SEQ ID NO:10		-----	
SEQ ID NO:12		-----GEDSSG-----ILSGESP-----ECSFSDIDSSPPPPSPTT-----	
SEQ ID NO:14		-----ARAG-----IMDS-SP-----ECS-SDLDS\$PPSEAE-----	
SEQ ID NO:30	121	-----	180
SEQ ID NO:8		-----SIACFIEDER-TFVPGHDYLSR-----FQ-----	
SEQ ID NO:10		-----QDEYVALLLSKES-A-SGGGGPVEE-----ME-----	
SEQ ID NO:12		-----	
SEQ ID NO:14		-----EDCYSIASFIEHER-NFVPGFEYLSR-----FQ-----	
		-----SIAGFMEDER-NFVPGFEYLSR-----FQ-----	
SEQ ID NO:30	181	-----	240
SEQ ID NO:8		TRSLDASARED--SV--AWILKVQAYYNFQPLSAYLAVNYMDRFLYARRLP-ETSGWPMQ	
SEQ ID NO:10		DWM--KAARSG--CV--RWIIKTTAMFRGGKTAYVAVNYLDRFLAQRRVNRE-HAWGLQ	
SEQ ID NO:12		-WL--Q-----TNAGFRSLKTAYVAVTYLDRFLARRCVD RD-KEWALQ	
SEQ ID NO:14		SRLDANAREE--SV--GWILKVHAYYGFPQPLTAYLAVNYMDRFLDSRRLP-ETNGWPLQ	
		SRLDASAREE--SV--AWILKVQAYYAFQPV TAYLSVNYLDRFLNSRPLPKKTNGWPLQ	
SEQ ID NO:30	241	LLVACL SLAAKMEELVPSLFDQFQVAGVKYLFEAKTIKRMELL-----VLSVLDWRL	300
SEQ ID NO:8		LLMVACMSLATKLEEHAPRLSEFPLDACEFAFDSASILRMELL-----VLGTLEWRM	
SEQ ID NO:10		LLSVACL SLAAKVEERRPPRLPEFKLDM----YDCASLMRMELL-----VLTTLKWQM	
SEQ ID NO:12		LVSVACL SLAAKMEELVPSLLDLQIEGAKYIFEP TIRRMELL-----VLGVLDWRL	
SEQ ID NO:14		LLSVACL SLAAKMEESLVP SLLDLQVEGAKYVFEPTIRRMELL-----VLGVLDWRL	

SEQ ID NO:30	301	RSVTPFDFFISFFAYKIDLRVPFSGSL-SPMLQSIILSNIKEASFLEY----	360	WPSSIAAAAAI
SEQ ID NO:8		IAVTPFPYISYFAARFRETSA--GRILMRAVECVFAAIKVISSVEX----		RPSTIAVASI
SEQ ID NO:10		ITETPFSYLNCF TAKFRHDER--KAIVLRAIECIFASIKVISSVGY----		QPSTIALAAAI
SEQ ID NO:12		RSVTPLCFLAFFACKVDSTGTGTFIRFLISRATEIIVSNIQEASFLAY----		WPSCIAAAAAI
SEQ ID NO:14		RSVTPFSFLDFFACKLDSTGTGTFGLISRATQIILSNIQEASFLAY----		WPSCIAAAAAI
SEQ ID NO:30	361	LCVANELPSLSSVVNPHESPETWCDGLSKEKIVRCYRLMKAMAIENNRLNTP--	420	KVIAKIL
SEQ ID NO:8		L-----		
SEQ ID NO:10		L-----IARNKETAPNLDELSVH		
SEQ ID NO:12		LTAANEIPNWS-VVKP-ENAESWCEGLRKEKVI GCYQLMQELVINNNQKPLPLKVLQPQL		
SEQ ID NO:14		LHAANEIPNWS-LVRP-EHAESWCEGLRKEKI GCYQLMQELVIDNNQKPP--KVLQPQL		
SEQ ID NO:30	421	RVSVRAS---STLTR--PSDESS-----SPCKRRKLSGYSWVGDETSTS-N	470	
SEQ ID NO:8		-----		
SEQ ID NO:10		RLAPWQLMML-----		
SEQ ID NO:12		RVTTTRMRSSTVSSF--SSSSSTFSLCKRRKLNRLNWVDD-KGNSE.		
SEQ ID NO:14		RVTISRPMRSSVSSFLASSSPSSSLSCRRRKLNNSLWVDDDKGNSQ.		

Figure 3

SEQ ID NO:31	1	MAADNIYDEVASNLLCTETKSLCFDDVDS--LTISQNI-----ETKSKDL-SFNN--	60
SEQ ID NO:18		-----TRDDFGA----	
SEQ ID NO:22		HLRA-----	
SEQ ID NO:31	61	-----GIRSEPLIDLPS-----LSEECLSFMVQREMELPKDDYVERLRS--	120
SEQ ID NO:18		-----DL-----FPQSEECVAGLVERERDHMPGPGCYGDRLRG--GGCLC-VRR	
SEQ ID NO:22		-----TRGCP-----RPVRRDHPSSDLTASTK	
SEQ ID NO:31	121	EALDWILKAHMHYGFGLSFCLSIINYLDREFLSLYELPRSKTWTVQLLAVACLSLAAKME	180
SEQ ID NO:18		EAVDWIKAYTHHFRPLTAYLAVNYLDREFLSLSEVPDCKDWMQTQLLAVACVSLAAKME	
SEQ ID NO:22		-----MXF-----	
SEQ ID NO:31	181	INVPLTVDLQ-VGDPKKEVFEGKTIQRMELLVLSTLKWRMQAYTPYTFIDYEMRKMN--GD	240
SEQ ID NO:18		TAVPQCLDLQEVGDARYVFEAKTVQRMELLVLTTLNWRMHAVTPFSYVDYFLNKLNNNGS	
SEQ ID NO:22		-----EANSAFEARTIKVMELLVFSTLKWRMQAVTACSFIDYFLCKFND--H	
SEQ ID NO:31	241	QIPSRPLISGMQLILSIIRSIDFLEFRSSEIAAS--VAMSVSGEIQAKDI-DKAMPCFF	300
SEQ ID NO:18		TAPRSCWLLQSAELILRAARGTGCVGFRPSEIAAA--VAAAAGDVDDADGVENACC---	
SEQ ID NO:22		DTPSMLAFSCSTDILSTTKXADFLVFRHSEIAGSVALPSFGEHKTSVVMEMATNCK---	
SEQ ID NO:31	301	IHLDKGRVQKVELIQDLTTATTAA-----AASLVPQSPIGVLEAAACL SYK	360
SEQ ID NO:18		AHVDKERVLRQCEAIGSMASAAIDDATVPPKSARRRSSPVVPQSPVGLDAAAPCLSYR	
SEQ ID NO:22		-YINKG--VXCDRKDPD-----EV---LPLWNA-----	
SEQ ID NO:31	361	SGDERTV--GSCITTSHT-----KRRKLDTSLEHG-----TSE--KL	420
SEQ ID NO:18		SEEAATATATATSAASHGAPGSSSSSTSPVTSKRRKIASRCDGSCSDRSKRPAQWTKE	
SEQ ID NO:22		-----YL-----KFGLRDM-----L	

Figure 4

SEQ ID NO:32	1	MAIEHNEQ--QELSQ-SFLLDALYCEEEEEKWGDLDVDDETIITPLSSEVTTTTTTT-KP	60
SEQ ID NO:24		-----	
SEQ ID NO:32	61	NSLLPLLLLEQDLFEWEDELLSLEFSEKETH-CWFNSFQDDSD--LLCSARVDSVEWILK	120
SEQ ID NO:24		-----NSARAAVGVWSR	
SEQ ID NO:32	121	VNGYYGFSALTAVLAINYFDR-FLTSLHYQKD-KPWNMQLAAVTCLSLAAKVEETQVPLL	180
SEQ ID NO:24		AAARLGFSALTAALAAAYLDRCFLPGALRLGDQPMARLAAVTCFALAAKVEETRVPLL	
SEQ ID NO:32	181	LDFOV-----EDAKYVFEAKTIQRMELLVSSLKWRMNPVTPLSFLDHIIRRLGLRNNIH	240
SEQ ID NO:24		LDLQLYAAADAADPYVFEAKTVRRMELLVLSALGWRMHPVTPFSYLQPVLAATAATR----	
SEQ ID NO:32	241	WEFLRRCENLLSIMADCRFVRYPMSVLATAIMLHVHQVEPCN--SVDYQNQLLGVLKI	300
SEQ ID NO:24		---LRSCGVLAVMADWRPRHRPSAWAAAAALLITAAAGDGGDGDG---DTELLALINA	
SEQ ID NO:32	301	NKEKVNNCFELISEVCS-K-----PISHKRKYENPS-----HSPSGVID--PIYSS	360
SEQ ID NO:24		PEDKTAECAKIISEVTGMSFLAC-DVGVSAAGNKRKHAQAALYSPPPSPSGVIGALSCFSC	
SEQ ID NO:32	361	ESSN-----DSWDLES-----TSSYF---PVFKKSRVQEQQMKLASSIS---RVFV	420
SEQ ID NO:24		ESSTSATAMAAAVGPWAPSASVSVSSSPEPPGRAP-KRAAAAASASASASAGVAPPVQVPH	
SEQ ID NO:32	421	EAVGS-----P-----H	439
SEQ ID NO:24		QLPPDEESRDAMPSTCAA.	